

# Dr. MARA SANGIOVANNI

## DATI PERSONALI

---

NOME: Mara Sangiovanni  
LUOGO E DATA DI NASCITA: Napoli | 1 Luglio 1975  
UFFICIO : Area di Ricerca CNR - Via Pietro Castellino 111, 80131 Napoli  
+39 0816139506  
EMAIL: [mara.sangiovanni@cnr.it](mailto:mara.sangiovanni@cnr.it)  
PROFILO LINKEDIN: <https://www.linkedin.com/in/mara-sangiovanni/>

## ESPERIENZE LAVORATIVE

---

dal 07/2020	<b>Ricercatore.</b> Attività di ricerca sui temi del Deep Learning applicato ad immagini mediche. <i>Istituto di Calcolo e Reti ad Alte Prestazioni (ICAR) - CNR, Napoli</i>
11/2017-07/2020	<b>Assegnista di Ricerca.</b> Realizzazione di servizi di supporto alla bioinformatica. <i>Stazione Zoologica Anton Dohrn, Napoli</i>
06/2014-10/2017	<b>Assegnista di Ricerca.</b> Studio di tecniche di Machine Learning per l'elaborazione di dati biologici. <i>Istituto di Calcolo e Reti ad Alte Prestazioni (ICAR) - CNR, Napoli</i>
10/2010-07/2011	<b>Professore a contratto.</b> Attività integrative del corso di Ingegneria del software. <i>Università Federico II, Napoli</i>
09/2009-03/2011	<b>Titolare di Borsa di Studio.</b> Realizzazione di software per l'analisi di reti geniche su organismi modello. <i>Università Federico II, Napoli</i>
07/1997-04/2004	<b>Analista Programmatore e Database Manager.</b> <i>Presso azienda Softlab Due/Neatec, Napoli</i>

## FORMAZIONE

---

05/2011 - 05/2014	<b>DOTTORATO IN BIOLOGIA COMPUTAZIONALE E BIOINFORMATICA</b> Università Federico II Napoli
Titolo della tesi	<i>Model Checking of Metabolic Networks: Application to Metabolic Diseases</i>
03/2009	<b>LAUREA MAGISTRALE IN INFORMATICA</b> Università Federico II Napoli
Titolo della tesi	<i>Metodi di apprendimento non supervisionato per l'analisi di serie temporali con applicazioni alla videosorveglianza</i>

## PUBBLICAZIONI SELEZIONATE

---

Antonelli, L., Guarracino, M. R., Maddalena, L., **Sangiovanni, M.** Integrating imaging and omics data: A review. *Biomedical Signal Processing and Control* 52 (2019).

Ambrosino, L., Tangherlini, M., Colantuono, C., Esposito, A., **Sangiovanni, M.**, Miralto, M., Sansone, C., Chiusano, M. L. Bioinformatics for marine products: An overview of resources, bottlenecks, and perspectives. *Marine drugs*, 17(10)(2019)

**Sangiovanni, M.**, Granata, I., Thind, A. S., Guarracino, M. R. From trash to treasure: detecting unexpected contamination in unmapped NGS data. *BMC bioinformatics* 20.4 (2019).

Granata, I., Troiano, E., **Sangiovanni, M.** Guarracino, M. R. Integration of transcriptomic data in a genome-scale metabolic model to investigate the link between obesity and breast cancer. *BMC bioinformatics* 20.4 (2019).

Viola M., **Sangiovanni M.**, Toraldo G., Guarracino M.R. Semi-supervised Generalized Eigenvalues Classification *Annals of Operations Research*. 276 (1) (2017).

Viola M., **Sangiovanni M.**, Toraldo G., Guarracino M.R.. A generalized eigenvalues classifier with embedded feature selection. *Optimization Letters*. 11 (2) (2015).

Pagliarini R., **Sangiovanni M.**, Peron A., di Bernardo D. Combining Flux Balance Analysis and Model Checking for metabolic network validation and analysis. *Natural Computing*. 14 (3) (2014).

**Sangiovanni M.**, Vigilante A., Chiusano, M. L.. Exploiting a Reference Genome in Terms of Duplications: the Network of Paralogs and Single Copy Genes in *Arabidopsis thaliana*. *Biology*. 2 (4) (2013).